

Algorithmen und Komplexität Lösungsvorschlag zu Übungsblatt 8

Lösungsvorschlag zu Aufgabe 1

Kruskal betrachtet zu Beginn einen Graphen $T = (V, F)$, welcher nur aus den Knoten des Graphen G besteht, das heisst $F = \emptyset$. Dann werden sukzessive die Kanten, aufsteigend nach ihrem Gewicht betrachtet. Falls die Kante keinen Kreis in T schliesst, wird sie in den Graphen T eingefügt, ansonsten wird sie verworfen.

Zu Beginn, solange noch keine Kante in den Graphen betrachtet wurde, ist jeder Knoten für sich eine Zusammenhangskomponente (ZHK). Jede zusätzliche Kante kann nun

- (1) zwei Knoten unterschiedlicher ZHK oder
- (2) zwei Knoten der selben ZHK verbinden.

Genau dann wenn der 2. Fall eintritt wird ein Kreis geschlossen.

Eine Union-Find Datenstruktur eignet sich hervorragend zur Modellierung dieser Vorgänge. Eine ZHK wird dabei durch die Menge der in ihr enthaltenen Knoten repräsentiert. Wenn nun eine neue Kante $\{u, v\}$ betrachtet wird, rufen wir die Find Operation auf beide Knoten der Kante auf. Falls $Find(u) = Find(v)$, sind die Knoten in derselben ZHK und wir sind in Fall (2). Ansonsten sind wir in Fall (1): Dann fügen wir $\{u, v\}$ zu T hinzu und vereinigen die beiden Komponenten mit der Operation $Union(Find(u), Find(v))$.

Laufzeit: Um zu testen ob sich u und v in der selben ZHK befinden und um diese gegebenenfalls zu vereinigen benötigen wir mit Union-Find Strukturen logarithmische Laufzeit $O(\log |V|)$. (Zweimaliges Ausführen einer Find Operation und gegebenenfalls eine Union Operation.) Insgesamt ergibt sich also Laufzeit $O(|E| \cdot \log |V|)$. (Für das Sortieren brauchen wir Zeit $O(|E| \cdot \log |E|) = O(|E| \cdot \log |V|)$, da $|E| \leq |V|^2$ und für das sukzessive Einfügen der Kanten Zeit $O(|E| \cdot \log |V|)$).

Mit dem „naiven“ Ansatz (modifizierte Breitensuche) benötigt man für jede Kante hingegen linear lange, also Laufzeit $O(|V| + |E|) = O(|V|)$, wobei die Gleichheit hier gilt, weil der auf Kreisfreiheit zu testende Graph immer höchstens einen Kreis hat und deshalb $|E| \leq |V|$ ist. Zusammen mit dem Sortieren ergibt sich also die Laufzeit

$$O(|E| \cdot \log |V| + |E| \cdot |V|) = O(|E| \cdot |V|).$$

Punkteschema:

Korrekte Implementierung von Kruskal mit Union-Find Struktur: 4 Punkte

Korrektheitbegründen (kreisfreiheit testen entspricht zu testen ob u und v in der selben ZSHK sind): 2 Punkte

Laufzeitanalyse: 2 Punkte

Vergleich zu naiver Implementation mit BFS: 2 Punkte

Bei kleineren Fehlern wie Laufzeit fürs Sortieren vergessen oder ungenaue Präsentation der Implementierung jeweils –1 Punkt

Lösungsvorschlag zu Aufgabe 2

- a) Die längste aufsteigende Teilsequenz ist 2, 5, 6, 11, 14.
- b) Im folgenden kürzen wir die längste aufsteigende Teilsequenz mit LATS ab. Seien $a_1 < a_2 < \dots < a_{n \cdot m}$ die Elemente von A aufsteigend sortiert. Wir definieren L_i als die Länge der LATS von A , welche in a_i endet. Zusätzlich definieren wir die Nachbarschaft $\Gamma(a_i)$ eines Elements a_i als die in A zu a_i benachbarten Elemente. Die LATS die in a_i endet, besteht entweder nur aus a_i oder sie besteht aus a_i angehängt an die LATS einer der Nachbarn der kleiner als a_i ist. Es folgt die Korrektheit folgender Rekursionsformel:

$$L_i = \begin{cases} 1, & \text{falls } a_j > a_i \text{ für alle } a_j \in \Gamma(a_i) \\ \max_{a_j \in \Gamma(a_i): a_j < a_i} \{1 + L_j\} & \text{sonst} \end{cases}$$

Die Formel für L_i lässt sich berechnen, falls L_j für alle Nachbarn a_j von a_i mit $a_j < a_i$ bereits bekannt ist. Darum lassen sich die L_i iterativ für $i = 1, \dots, mn$ berechnen, wenn wir die a_i in aufsteigend sortierter Reihenfolge betrachten. Die Länge der LATS in A ist dann gleich $\max_{1 \leq i \leq mn} \{L_i\}$. Pseudo-Code:

```
Sortiere die Elemente von  $A$ :  $a_1 < \dots < a_{m \cdot n}$ 
for  $i = 1, \dots, mn$  do
  if  $\forall a_j \in \Gamma(a_i) : a_j > a_i$  then
     $L_i = 1$ 
  else
     $L_i = \max_{a_j \in \Gamma(a_i) : a_j < a_i} \{1 + L_j\}$ 
  end if
end for
 $L = \max_{1 \leq i \leq mn} \{L_i\}$ 
return  $L$ 
```

Wenn zusätzlich die LATS gefunden werden soll, starten wir in a_i wo die LATS endet. In jedem Schritt suchen wir den Vorgänger von a_i in der LATS (nämlich derjenige Nachbar a_j mit $L_j = L_i - 1$), hänge a_j an die LATS und fahre bei a_j fort.

```
 $i = \arg \max_{1 \leq i \leq mn} L_i$ 
 $\ell = L_i$ 
 $w[\ell] = a_i$ 
for  $k = 1, \dots, \ell - 1$  do
  Wähle  $a_j \in \Gamma(a_i)$  sodass  $L_j = L_i - 1$ 
   $w[\ell - k] = a_j$ 
   $i = j$ 
end for
return  $w[1 \dots \ell]$ 
```

Das Sortieren benötigt Laufzeit $\mathcal{O}(nm \log(mn))$, das Berechnen der Länge der LATS $\mathcal{O}(mn)$, da jede Iteration der For-Schleife in konstanter Zeit ausgeführt werden kann. Das Bestimmen der LATS benötigt Zeit $\mathcal{O}(L) = \mathcal{O}(mn)$. Somit ergibt sich eine Gesamtlaufzeit von $\mathcal{O}(mn \log(mn))$

Punkteschema:

a) 2 Punkte falls korrekte LATS angegeben

b) **Rekursionsformel:** maximal 6 Punkte.

Definition L_i : 1 Punkt

Korrekte Rekursionsformel für L_i : 3 Punkte (bei Ungenauigkeiten, z.B. Fall $L_i = 1$ falls ... vergessen, 1 Punkt pro Fehler Abzug)

Begründung Rekursionsformel: 2 Punkte

Algorithmus zur Bestimmung von L : maximal 5 Punkte (diese Punkte können nur erreicht werden, wenn L_i korrekt definiert ist und die Rekursionsformel einigermaßen Sinn macht, d.h. L_i anhand der Nachbarn mit kleineren Werten berechnet wird)

Berechnungsreihenfolge der L_i (anhand aufsteigender Sortierung): 2 Punkte

Ausgabe maximales L_i : 1 Punkt

Laufzeitanalyse: 2 Punkte

Bestimmen der LATS: 3 Punkte

- 1 Punkt pro Fehler wenn die Idee stimmt.

Bemerkung: Die Laufzeit kann auf $\mathcal{O}(mn)$ verbessert werden. Die Berechnung der Länge der LATS nach dem Sortieren benötigt lediglich $\mathcal{O}(mn)$. Der Hauptterm der Laufzeit des oben präsentierten Algorithmus wird vom Sortieren der Elemente verursacht, welches folgendermassen umgangen werden kann. Wir konstruieren einen gerichteten Graphen G mit Knoten a_1, \dots, a_{mn} . Eine Kante (a_i, a_j) befindet sich genau dann in G , falls $a_i > a_j$ und a_i und a_j in A benachbart sind. Die L_i können nun in der Reihenfolge einer Topologische Sortierung berechnet werden, welche nach Serie 3 in Zeit $\mathcal{O}(mn)$ gefunden werden kann (G enthält $\mathcal{O}(mn)$ Kanten!).

Lösungsvorschlag zu Aufgabe 3

Wir speichern in jedem inneren Knoten v des (a, b) -Baumes die Zahl $\ell(v)$ ab, welche angibt wieviele Schlüssel sich im Teilbaum mit Wurzel v befinden. Wir erklären zuerst, wie die Operationen INSERT, FIND und DELETE angepasst werden müssen, damit ℓ korrekt aktualisiert wird und sie weiterhin Zeit $\mathcal{O}(\log n)$ benötigen.

FIND: Wir belassen die FIND - Operation so wie sie ist. Da sich die Anzahl Schlüssel in keinem Teilbaum ändert, müssen die ℓ Werte nicht aktualisiert werden. Somit bleibt auch die Laufzeit bei $\mathcal{O}(\log n)$.

INSERT: Am Ende der INSERT-Operation werden eventuell Rebalancierungen ausgeführt. Wird ein Knoten v in zwei Knoten v_1 und v_2 zerteilt so bestimmen wir $\ell(v_1)$ und $\ell(v_2)$ indem wir die ℓ Werte ihrer Kinder aufsummieren. Sobald keine Rebalancierungen mehr nötig sind (d.h. der Vater v hat maximal b Kinder), so laufen wir von v bis zur Wurzel und erhöhen den ℓ -Wert jedes besuchten Knotens um 1, da ja die Anzahl Schlüssel in diesen Teilbäumen um 1 grösser wurde. Für alle anderen Knoten ändert sich die Anzahl Schlüssel im Teilbaum nicht. Sowohl für jede Rebalancierung also auch auf dem Weg zurück zur Wurzel brauchen wir jeweils Zeit $\mathcal{O}(1)$ um den neuen ℓ -Wert zu berechnen. Da der Baum Höhe $\mathcal{O}(\log n)$ hat, bleibt die Laufzeit bei $\mathcal{O}(\log n)$.

DELETE: Auch hier müssen am Schluss die ℓ -Werte aktualisiert werden. Falls keine Rebalancierungen nötig sind (der Vater v hat mindestens a Kinder) so reduzieren wir die ℓ Werte auf dem Weg von v zur Wurzel um jeweils 1. Falls v ein Kind von einem Nachbarn u adoptiert, so müssen die ℓ -Werte auf dem Weg von u bis zur Wurzel um 1 reduziert werden. Falls Verschmelzungen stattfinden, so berechnen wir den ℓ Wert des Vaters jeweils indem wir die ℓ -Werte der Kinder aufsummieren. Wie bei INSERT sieht man, dass insgesamt $\mathcal{O}(\log n)$ ℓ -Werte aktualisiert werden und somit die Laufzeit $\mathcal{O}(\log n)$ bleibt.

Es ist einfach einzusehen, dass die Aktualisierungen der ℓ -Werte obiger Operationen korrekt sind und dass sich die Anzahl Schlüssel in den restlichen Teilbäumen nicht ändert.

Wir implementieren nun die SELECT(k, T) Operation. Für einen Knoten v seien v_1, \dots, v_k seine Kinder. Wir definieren die Funktion SELECT(k, v), welche den k -kleinsten Schlüssel im Teilbaum mit Wurzel v findet, folgendermassen. Falls v keine Kinder mehr hat, so geben wir den Schlüssel von v aus. Ansonsten suchen wir das Kind v_i von v mit $v_1 + \dots + v_{i-1} < k \leq v_1 + \dots + v_i$, und rufen SELECT($k - (v_1 + \dots + v_{i-1}), v_i$) auf. Um SELECT(k, T) zu berechnen rufen wir SELECT(k, w) auf, wobei w die Wurzel von T ist. Die Korrektheit folgt, da wir jeweils das Kind auswählen,

in dessen Teilbaum der k -kleinste Schlüssel enthalten ist. Da wir während der Suche auf jeder Ebene des Baumes konstant viel Zeit benötigen folgt eine Laufzeit von $\mathcal{O}(\log n)$.

Punkteschema:

Idee abspeichern der Werte $\ell(v)$, 2 Punkte

Implementierung von Select, 5 Punkte

Anpassung von Find, 1 Punkt

Anpassung von Insert, 3 Punkte

Anpassung von Delete, 3 Punkte